

RECEIVED

DEC 0 2 2003

Figure 1A

TECH CENTER 1600/2900

Identity to SeqID No:1 is indicated by a dot and Gap is indicated by a dash.

Seqid1 Seqid3	:	* 20 * ATGGGACAGTTTATGTCAGTTTTCCGCATC	:	30
Seqid1 Seqid3	:	40 * 60 AATATGACCGCCGCCACGGTTTTGGCAGCA	:	60 8
Seqid1 Seqid3			:	90 -
Seqid1 Seqid3			: :	120 29
Seqid1 Seqid3	:	- TO THE THE ACCORDANCE OF THE PROPERTY OF THE	:	150 59
Seqid1 Seqid3	:	160 * 180 AAAAACGGCGATTACAGCTCGTTTGCCGTC	:	180 89
Seqid1 Seqid3	:	* 200 * ACCGTCGGCACAAAATCCCCGCTTCTTTG	:	210 119



RECEIVED

DEC 0 2 2003 TECH CENTER 1600/2900

Figure 1B

-		220 * 240		
Seqid1	:	CGCGAAATTCCGCAATCCGTCAGTATCATC		24
Seqid3	:	······	•	
-			•	14:
		* 260 *		
Seqidl	:	ACCAACCAGCAGGTCAAAGACCGCAATGTT	:	270
sédra3	:	***************************************	:	179
		•		
		280 * 300		
Seqid1	:	GATACGTTTGACCAGTTGGCGCGCAAAACG	:	300
Seqid3	:		:	209
			-	203
		•		
		* 320 *		
seqial	;	CCCGGCCTGCGCGTGTTGAGCAACGATGAC	:	330
Seqid3	:	••••••	:	239
		340 * 360		
Seqid1	:	GGACGCTCTTCGGTTTACGCGCGCGGTTAC	:	360
Seqid3	:	·····	:	269
			•	200
5 ¹ 14		* 380 *		
seqial		GAATACAGCGAATACAACATCGACGGCCTG	:	390
Seqid3	:	••••••	:	299
		400 * 420		
Seqid1	:	CCCGCGCAGATGCAGAGTATCAACGGCACG	:	420
Seqid3	:	************		320





RECEIVED

DEC 0 2 2003

Figure 1C

		* 440 *		
Seqid1		CTGCCCAATCTGTTCGCCTTCGACCGCGTG	:	450
Seqid3	;		:	359
•				
G : 3 -		460 * 480		
Seqid1	:	GAAGTGATGCGCGGGCCGAGCGGACTGTTC	:	480
Seqid3	:	•••••	:	389
a ! 1-		* · 500 *		
Seqid1	:	GACAGCAGCGGCGAGATGGGCGGTATCGTG	:	510
Seqid3	:	••••••	:	419
0 . 1		520 * 540		
Seqid1	=	AATCTGGTGCGCAAACGCCCGACCAAAGCG	:	540
Seqid3	:		:	449
0		* 560 *		
Seqid1	:	TTCCAAGGTCATGCTGCGGCAGGGTTCGGT	:	570
Seqid3	:		:	479
2/-2-		580 * 600		
_	.:	ACGCACAAACAATATAAAGCCGAGGCGGAC	:	600
Seqid3	:	••••••	:	509
20		* 620 *		
Seqid1		GTATCGGGCAGCCTCAATTCAGACGGCAGC	:	630
Seqid3	:	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	:	539
Seqidl		640 * 660		
Seqidi Seqidi	:	GTGCGCGGCCGCGTGATGGCGCAGACCGTC	:	660
LULPO	·	• • • • • •		



RECEIVED

DEC 0 2 2003

Figure 1D

		* 680	*		
Seqid1		GGCGCGTCTCCGCGTCCCGCCGAGAAAAA	C		690
Seqid3	:		_	:	599
			•	•	29
		700 * 720)		
Seqid1		AACCGGCACGAAACCTTCTACGCGGCGGCG	7		720
Seqid3	:	***********		:	629
				•	023
		* 740 *	_		
Seqid1	:	** GATTGGGACATCAACCCCGATACGGTTTTG	_		
Seqid3	:		j	:	750
	•	***************************************		:	659
		760 * 780			
Seqidl	:	GGCGCGGGCTATCTTTACCAGCAACGCCAC		:	780
Seqid3	:	************************		:	689
		* 000			
Seqidl	:	* 800 *			
Seqid3	:	CTCGCGCCGTACAACGGCTTGCCAGCCGAT	:	:	810
ooqius	•		:	:	719
		820 * 840			
Seqid1	:	GCCAATAACAAATTACCGTCCCTGCCGCAA	;	i	840
Seqid3	:	***************************************	:		749
		* 860 *			
Seqid1	:	CACGTATTTGTCGGCGCGGATTGGAACAAA	:		870
Seqid3	:		:		779

RECEIVED

DEC 0 2 2003

TECH CENTER 1600/2900

Figure 1E

		880 * 900	į	
Seqid		: TTTAAAATGAACAGCCACGACGTGTTTGCC	٠.	900
Seqid:	3	:		
			:	809
		* 920 *		
Seqidl	_	GATTTGAAACATTACTTCGGCAACGGCGGC		000
Seqid3	3	- 1 - 1 - 1 - 1 - 1 - 1 - 1 - 1 - 1 - 1	:	930
-			:	839
		940 * 960		
Seqid1				0.00
Seqid3	:		:	960
-			:	869
		* 980 *		
Seqid1	:	CGCGATGCCGACTCCAACTATGCCTTTGCC		000
Seqid3	:		•	990
_			:	899
		1000 * 1020		
Seqid1	:	GGCAGCAAGCTGGGCATGAAAACCCCGGCA		1020
Seqid3	:	·····	•	
			:	929
0 - 1 3-		* 1040 *		
Seqid1	:	GGCCGCCGGGCTGCAATACGGCTGACGAC		1050
Seqid3	:	***********	•	
			•	959
0		1060 \$ 1080		
Seqidl	:	AAAGCCTGCGCGGTGGGTTTGGGTACAGAA	:	1080
Segid3	:	*************	:	989
			•	203
Seqid1	:	* 1100 *		
_		ATCAAACAAAAAGCCCTCGCGTTTGACGCC	:	1110
Seqid3	:	••••••	:	1019



RECEIVED

DEC 0 2 2003 TECH CENTER 1600/2900

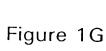
Figure 1F

		* 1140		
Seqid1		AGCTACAGCAGGCCTTTCCGCTTGGGCAAT	:	1140
Seqid3	:		:	1049
		* 1160 *		
Seqid1		ACGGCCAACGAATTTGTCATCGGCGCCGAT	:	1170
Seqid3	:		:	1079
		1180 * 1200		
Seqid1	:			1200
Seqid3	:	***************************************		1109
			•	2200
		* 1220 *		
Seqid1	:	GGCCGTACTACTTTATATGCACGCGGCGGC	:	1230
Seqid3	:	***************************************	•	1139
			•	1100
		1240 * 1260		
Seqid1	:	CTGGCTTTAAACGAGTTCCGCAGCATACCG		1260
Seqid3	:		:	1169
			•	1109
		* 1280 *		
Seqid1	:	CA COMMON MANAGEMENT	.:	1290
Segid3	:	·····		1199
			•	1177
		·		
		1300 * 1320		
Seqid1	:	GGCGTGCGCGTTACAGCCATACCGTCGCT		1320
Seqid3	:	***************************************	:	1229

RECEIVED

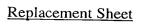
DEC 0 2 2003





MON 5 7 5003

Seqid1 Seqid3		* 1340 * ACCGAAAACCTCGACGAATTCGGCATTTAC	:	: 1350 : 1259
Seqid1 Seqid3	:		:	1380 1289
Seqid1 Seqid3	:	* 1400 * CTGTCGCTTATCGGCGGCGGACGTTTGGGA	:	1410 1319
Seqidl Seqid3	:	1420 * 1440 CACTATAAAATCGAGTCGGGCGAAGGCAAA	:	1440 1349
Seqid1 Seqid3	:	* 1460 * ACCCTGCACAAAGCCAGCAAAACCAAGTTC	:	1470 1379
Seqid1 Seqid3	:	1480 * 1500 ACCGGCTACGCAGGCGCGGTTTACGACTTG	:	1500 1409
Seqid1 Seqid3	:	* 1520 * AACGACAACAACAGCCTCTACCTGAGCCTG	:	1530 1 43 9
Seqid1 Seqid3	:	1540 * 1560 TCCCAGCTCTACACACCGCAAACCAACCTC	: :	1560 1469



RECEIVED

DEC 0 2 2003



		* 1580 *		
Seqid1		GATGCCGACGGCAAGCTGCTCAAACCGCGC	:	1590
Seqid3	:		:	1499
		1600 * 1620		
Seqidl	:	CAAGGCAACCAGTTTGAAGTCGGTTACAAA	:	1620
Seqid3	:		:	1529
~		* 1640 *		
Seqid1	:	GGCAGCTACATGGACGACCGCCTCAATGCC	:	1650
Seqid3	:		:	
		•		
		1660 * 1680		
Seqid1	:	CGAGTTTCGTTCTACCGCATGAAAGACAAA	:	1680
Seqid3	:		:	
			•	1303
		* 1700 *		
-	:	AACGCCGCCGCACCGTTGAACCCGAACAAC	•	1710
Seqid3	:	***************************************	•	1619
			•	1013
		1720 * 1740		
Seqid1	:	AAAAAAACCCCTTA CCCCCCA mmaaaaaaa	:	1740
Segi <mark>d3</mark> :	:			1649
			•	1649
		* 1760 *		
eqid1 :	:	CGCGTGD TCCD A CCCCCTTCD CD CCCC	•	1770
Seqid3 :	:	• • •		1770
		***************************************	:	1679



DEC 0 2 2003





Figure 11

1780 * 1800	
Seqid1 : AGCGGCGCGGTTACACCGAAATGGCAAATC	: 1800
Seqid3 :	
	: 1709
* 1000	
* 1820 * Seqid1 : CATGCAGGTTACAGCTATCTGCAGAGCGAA	
Comida	: 1830
Seqid3 :	1739
1840 * 1860	
Seqid1 : ATCAAAACCGCCTCCAATTCACGCGACGAC :	1860
Seqid3 :	1769
	2703
* 1880 *	
Seqid1 : GGCATCTTCCTGCTGATGCCCAAACACAGC :	1000
Secida .	1890
:	1799
1900 * 1920	
	•
Secida .	1920
beqias :::	1829
* 1940 *	
Seqid1 : CCCGAGCTGACCATCGGCGGCGGAGTGAAC :	1950
Seqid3 ::	1859
1960 * 1980	
Seqid1 : GCGATGAGCGGCATTACTTCATCTGCAGGG -	1980
Seqid3 :	1889
	1007
* 2000 *	
Seqid1 : ATGCATGCAGGCGGTTATGCCACGTTCGAT :	2010
Seards :	
	1919



RECEIVED

DEC 0 2 2003

TECH CENTER 1600/2900

Figure 1J

		* 2020 * 2040		
Seqid1	:	GCGATGGCGGCATACCGCTTCACGCCCAAG		2040
Seqid3	:	***************************************	:	
			•	1745
		* 2060 *		
Seqid1	:	CTGAAGCTGCAAATCAACGCCGACAACATC		2020
Seqid3	:	·······································	•	2070
_			•	1979
		2080 * 2100		
Segid1		TTCAACCGCCATTACTACGCCCGCGTCGGC		
Segid3	Ţ	······································	:	
1	٠		:	2009
		* 2120		
Secidi		2120 *		
Segida	•	GGCGCGAACACCTTTAACATTCCCGGTTCG	:	2130
seqius	:	***************************************	:	2039
0 : 1 -		2140 * 2160		
seqial	:	GAGCGCACCTGGACGGCAAACCTGCGTTAC	:	2160
Seqid3	:	G.CT	:	2069
Seqid1	:	AGTTTTTAA : 2169		
Seqid3		: 2078		



RÉCEIVED

DEC 0 2 2003

TECH CENTER 1600/2900

Figure 2A

Identity to SeqID No:2 is indicated by a dot and Gap is indicated by a dash.

* 20	*	
MGQFMSVFRINMTAATVLAAL	SSSVFAAOT :	: 3
	•	•
40 *	60	
ADLETVHIKGQRSYNAIVTEKI	NGDYSSFAV ·	: 60
GNR	:	
		2.
* 80	*	
CVGTKIPASLREIPQSVSIIT	MOOAKDBMA .	90
		59
	• • • • • • • • • •	33
	•	
100 *	120	
TFDQLARKTPGLRVLSNDDGF	SSSVVARGV .	120
• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	. tobvirker	89
		09
* 140	+	
YSEYNIDGLPAQMQSINGTLF	. ממרים אים זוא	150
· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·		
	• • • • • • • • •	119
160 ∗	180	
VMRGPSGLFDSSGEMGGIVNL		300
· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	WKKKPIKA :	180
		149
* 200		
QGHAAAGFGTHKQYKAEADVS	CCI NCDCC	210
		210
• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	• • • • • • • • • •	179

NOV 2 1 2003 P.

Replacement Sheet

RECEIVED

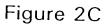
DEC 0 2 2003

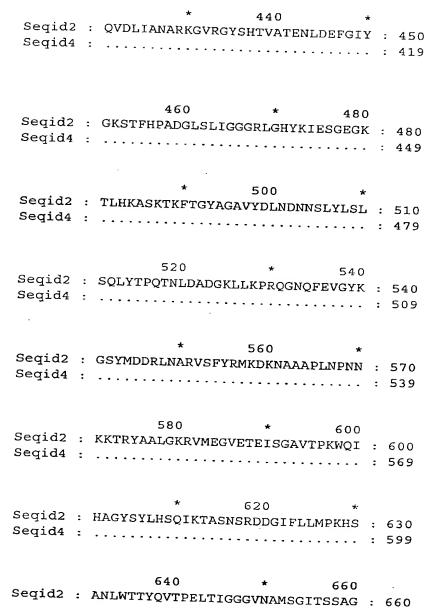
Figure 2B

		220 * 240		
Seqid2		VRGRVMAQTVGASPRPAEKNNRHETFYAAA		240
Seqid4	:			209
			•	203
		* 260 *		
Seqid2	:	DWDINPDTVLGAGYLYQQRHLAPYNGLPAD		270
Seqid4	:	***************************************		239
			•	233
		280 * 300		
Seqid2	:	ANNKLPSLPQHVFVGADWNKFKMNSHDVFA		300
Seqid4	:	***************************************	•	269
			•	209
		* 320 *		
Seqid2	:	DLKHYFGNGGYGKVGMRYSDRDADSNYAFA		330
Seqid4	:	·······································	•	299
			•	299
		340 * 360		
Seqid2	:	GSKLGMKTPAGRPGCNTADDKACAVGLGTE	:	260
Seqid4	:	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	:	360 329
			-	329
		* 380 *		
Seqid2	:	IKQKALAFDASYSRPFRLGNTANEFVIGAD		200
	:		:	390
_			:	359
		400 * 420		
Seqid2	:	YNRFRSTNEQGRTTLYARGGLALNEFRSIP	:	420
Seqid4	:	·····	:	420

RECEIVED

DEC 0 2 2003 TECH CENTER 1600/2900









RECEIVED

DEC 0 2 2003

Figure 2D

Seqid4	:		629
Seqid2 Seqid4	:	* 680 * MHAGGYATFDAMAAYRFTPKLKLQINADNI :	690 659
Seqid2 Seqid4	:	700 * 720 FNRHYYARVGGANTFNIPGSERTWTANLRY:	720 689
		SF : 722	



Figure 3

